

ŽÁDANKA O GENETICKÉ VYŠETŘENÍ	Evidenční číslo/a (vyplň laboratoř):		
 <p>Laborator molekulární genetiky U.S.G.POL s.r.o.</p> <p>Hanáckého pluku 1153/8 779 00 Olomouc Tel: +420 585 242 733 E-mail: lmg@usgpol.cz</p>	Jméno a příjmení:	Genotypické pohlaví (označte <input type="checkbox"/>):	
	Číslo pojištěnce:	<input type="checkbox"/> M <input type="checkbox"/> Ž	
	Datum narození:	Zdrav. poj.:	
	Adresa (nepovinný údaj):		
	Diagnóza:	STATIM: <input type="checkbox"/>	Samoplátce: <input type="checkbox"/> (označte <input type="checkbox"/>)
	Razítka/jméno a podpis lékaře/IČP/ odbornost:	Odběr provedl:	
Datum a čas:			

Druh primárního vzorku (označte <input type="checkbox"/>): <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> venozní krev s EDTA <input type="checkbox"/> choriová tkáň (choriové klky) <input type="checkbox"/> plodová voda <input type="checkbox"/> bukální stěr <input type="checkbox"/> izolovaná DNA z: <input type="checkbox"/> jiné: 	Informovaný souhlas a požadavky na nakládání se vzorky (označte <input type="checkbox"/>): <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> informovaný souhlas pacienta s DNA diagnostikou (uložen u žadatele o vyšetření) <input type="checkbox"/> izolace a uložení DNA <input type="checkbox"/> izolace a zaslání DNA do: <input type="checkbox"/> izolace a likvidace vzorku DNA po dokončení analýzy
---	--

Požadovaná vyšetření (DNA analýza) - označte <input type="checkbox"/> , vyšetření musí být indikované a interpretované klinickým genetikem:	
<ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> Vyloučení aneuploidie chromozomů 13, 18, 21 a stanovení pohlavních chromozomů X a Y metodou QF PCR <input type="checkbox"/> Stanovení pohlaví z periferní krve těhotné <input type="checkbox"/> Mikrodeleční syndromy (MLPA panel) <input type="checkbox"/> Subtelomerické delece/duplikace (MLPA panel) <input type="checkbox"/> Cystická fibróza (panel 36 variant včetně polyT/TG v genu <i>CFTR</i>) <input type="checkbox"/> Cystická fibróza (dvě varianty F508del a dele2,3 v genu <i>CFTR</i>) <input type="checkbox"/> Mikrodelece na chromozomu Y (AZF) <input type="checkbox"/> Spinální muskulární atrofie (stanovení počtu kopíí genu <i>SMN1</i> a <i>SMN2</i> metodou MLPA) <input type="checkbox"/> Vyšetření 5 nejčastějších variant v genu GJB2 (35delG, W24X, 313_326del, E120del, IVS1+1G>A) <input type="checkbox"/> Nesyndromová ztráta sluchu (DFNB1) - varianty v GJB2 genu pro Connexin 26 (Sangerovo sekvenování - kódující oblast exonu 2 a IVS1+1G>A) <input type="checkbox"/> Trombofilní stav - varianty FV Leiden, FII protrombin <input type="checkbox"/> Trombofilní varianty C677T a A1298C v genu <i>MTHFR</i> (samoplátky) <input type="checkbox"/> Gonozomální aberace chromozomu X a Y <input type="checkbox"/> Vyšetření varianty S680N v genu <i>FSHR</i> (samoplátky) <input type="checkbox"/> Fragilní X (stanovení počtu CGG repetic v genu <i>FMR1</i>) <input type="checkbox"/> Kauzální varianta v genu: <input type="checkbox"/> konfirmace (2 zkumavky periferní krve – nezávislý odběr) <input type="checkbox"/> Jiné: 	NGS analýzy <ul style="list-style-type: none"> <input type="checkbox"/> konfirmace (2 zkumavky periferní krve – nezávislý odběr) <input type="checkbox"/> HBOC - dědičné nádorové onemocnění prsu a vaječníků (24 genů) + MLPA-BRCA1/2 (+CHEK2: exon 1, 9 a 1100delC), popř. konfirmace Sangerovým sekvenováním <input type="checkbox"/> Lynchův syndrom (HNPCC) (24 genů) + MLPA <i>MLH1, MSH2, MSH6, PMS2</i> a <i>EPCAM</i> (exon 3, 8, 9), popř. konfirmace Sangerovým sekvenováním <input type="checkbox"/> Karcinom slinivky břišní + pankreatitida (30 genů) + MLPA-BRCA1/2 (+CHEK2: exon 1, 9 a 1100delC), popř. konfirmace Sangerovým sekvenováním <input type="checkbox"/> Familiární hypercholesterolémie (FH) – vyšetření varianty R3500Q v genu <i>APOB-100</i> a NGS hyperlipidémie (geny: <i>ABCG5, ABCG8, ANGPTL3, APOA5, APOB, APOE, HMGCR, LDLR, LDLRAP1, LIPA, LPL, PCSK9, SORT1, STAP1</i>), popř. konfirm. Sangerovým sekvenováním (NGS při negativitě na R3500Q v genu <i>APOB-100</i>) <input type="checkbox"/> Rasopatie (geny: <i>A2ML1, BRAF, CBL, HRAS, KRAS, LZTR1, MAP2K1, MAP2K2, NF1, NF2, NRAS, PPP1CB, PTPN11, RAF1, RASA2, RIT1, RRAS, SHOC2, SOS1, SOS2, SPRED1</i>), popř. konfirmace Sangerovým sekvenováním <input type="checkbox"/> Monogenní obezita (geny: <i>DYRK1B, LEP, LEPR, MC4R, NROB2, POMC, PPARG, UCP3, BDNF, KCNMA1, MC3R</i>), popř. konfirm. Sangerovým sekv. <input type="checkbox"/> Safety gene test (SGT) (test na určení přenašečství genetických onemocnění - vyšetření 420 genů asociovaných s 418 onemocněními)

Další sdělení pro laboratoř (údaje o pacientovi, léčba, délka trvání a průběh onemocnění, předchozí vyšetření, apod.)	
--	--

Přezkoumal:	Datum a čas příjmu:
-------------	---------------------